



01- Os bioprocessos são processos que envolvem a produção de compostos de interesse como medicamentos, bioindicadores, bioinibidores etc., utilizando organismos vivos (micro-organismos, células animais ou vegetais) ou suas partes.

A modelagem matemática faz o uso de equações matemáticas e algoritmos para o estudo dos sistemas e previsão de comportamentos. Quando aplicada aos bioprocessos ela pode ser utilizada para estratificação de risco, previsão de comportamento dos sistemas biológicos, otimização de processos etc.

Os tipos de modelos matemáticos mais utilizados em bioprocessos são:

- modelos cinéticos: que descrevem a velocidade das reações biológicas. Dessa forma, ele prevê como que o substrato é consumido e o produto é gerado. Como, exemplo, podemos citar o modelo de Michaelis - Menten que descreve a velocidade das reações enzimáticas através da equação:

$$V_0 = V_{\max} \frac{[S]}{K_m + [S]}$$

$$K_m + [S]$$

Onde: V_0 é a velocidade inicial da reação; V_{\max} é a velocidade na qual a enzima se encontra saturada devido a grande concentração de substrato; $[S]$ é a concentração de substrato; K_m é a concentração de substrato ~~que~~ em que a velocidade da reação é a metade de V_{\max} .

- modelos esteaquométricos: os basados em reações químicas e biológicas para descrever o transporte de nutrientes e as trocas de energia que acontecem no sistema. Dessa forma, é possível realizar, por exemplo, o balanço de massa, para descrever como os recursos são consumidos e os produtos são gerados.

- modelos operacionais em redes integradas: não utilizados para a compreensão de vias e redes metabólicas.

- modelos estocásticos e não-estocásticos: os modelos estocásticos levam em consideração a estrutura interna das células e a comportamental das reações, por exemplo, um organismo. Já os não-estocásticos consideram a célula como entidade única.

- modelos determinísticos e aleatórios: os modelos determinísticos consideram a variabilidade das complexas biologias, enquanto que os aleatórios a levam em

conta

Para a criação de modelos matemáticos é necessário uma grande quantidade de dados para que as equações e algoritmos descrevam de maneira mais precisa possível os sistemas descritos. Assim, os bancos de dados públicos se apresentam como uma grande fonte de dados para que esses modelos sejam alimentados.

Em bioprocessos, os bancos de dados públicos mais utilizados são o NCBI, o EMBL-EBI e o KEGG. O NCBI é um banco de dados de genomas e sequenciamento nucleotídico. O EMBL-EBI fornece dados provenientes de técnicas utilizadas na genómica, transcriptómica, proteómica e metabolómica. Por último, o KEGG permite a visualização de interações de redes e vias metabólicas.

Como ferramentas e softwares para a análise desses dados e construção de modelos, podem-se citar o MATLAB, o COPASI, e o Cell Design.

A aplicação da modelagem matemática e do uso de bancos de dados é possível com o sequenciamento e a montagem dos genomas. A primeira técnica de sequenciamento de DNA foi desenvolvida em 1971 por Frederick Sanger e ficou conhecida como Sequenciamento de Sanger. Nela, a fita simples de DNA é unida. Esta é amplificada, determinando em vários nucleotídeos diferentes. Ao final do processo, os produtos da reação são analisados em gel de eletroforese fria, uma técnica utilizada no Projeto Genoma, que sequenciou o genoma do ser humano. No entanto, ela é cara e muito demorada, sequenciando apenas algumas centenas de pares de bases por vez.

O sequenciamento de próxima geração foi desenvolvido no início dos anos 900. O princípio básico desse método é o sequenciamento de várias fitas de DNA (do mesmo genoma) em paralelo. Portanto, é mais vantajoso que o Sequenciamento de Sanger por reduzir o tempo e ser mais barato.

O sequenciamento de 1^ª geração foi desenvolvido no final dos anos 900, iniciado em 1995. Ele se difere das outras técnicas por não ter a etapa de amplificação de DNA. Ele é utilizado para o sequenciamento de genomas mais complexos.

PFM

00

Devido a grande quantidade de dados gerados as etapas de análise e processamento dos dados biológicos são de grande relevância. Para isso métodos legais como a Estatística e Machine Learning podem ser utilizados.

As tendências para o futuro são o uso da inteligência artificial para estudar, por exemplo, até mesmo padrões de variação genética e do Big Data, já que devido a grande quantidade de dados gerados por causa da evolução das metodologias de sequenciamento, esses dados precisam ser processados e armazenados em nuvens.

Em síntese, a modelagem matemática aplicada à bioprocessos, o uso de bancos de dados públicos, a análise de dados biológicos e a evolução das metodologias de sequenciamento e montagem de genomas são de grande importância para a Engenharia Biológica e de Bioprocessos. Isso, porque através delas é possível prever o comportamento dos sistemas biológicos, otimizar a produção de metabólitos de interesse e etc., representando um grande avanço em áreas da saúde, industrial e do meio ambiente.

Q2 - Bioprocessos são processos que utilizam micro-organismos, células animais, células vegetais ou enzimas para a produção de produtos de interesse como medicamentos, biocombustíveis, produtos alimentícios e etc.

O tipo de operação de um bioprocesso não é batelada simples, batelada alimentada e ~~é~~ processo contínuo. No processo em batelada simples, os nutrientes são adicionados ao biomassa e a mesma retirada junto com o produto ao final da operação. Esse tipo de operação é mais simples, e tem um investimento inicial menor do que os outros dois tipos de operação e o controle e monitoramento são mais fáceis. No entanto, como desvantagens podem ser citadas a temporalização entre o término de uma batelada e o início da outra e maior variabilidade do produto final.

A batelada alimentada é semelhante à batelada simples, diferenciando-se pelo de se ter a adição de nutrientes ao longo da operação para aumentar o crescimento da biomassa e otimizar a produção de produto desejado. Com

vantagens, podem ser citadas a maior produtividade e a maior facilidade em fazer ajustes durante a operação. Parém, o controle e o monitoramento é muito mais complexo do que a batelada simples.

Por ultimo, o processos contínuo como o próprio nome já diz se refere a entradas e saídas contínuas de nutrientes e de produto final, respectivamente. Assim, como vantagens dessa operação, podem citar a alta produtividade e a menor variabilidade do produto final. Contudo, o processo contínuo exige um investimento maior alto, além do controle e monitoramento, bem maior.

O balanço de massa é o estudo da transição de massa entre uma região de maior concentração para uma região de menor concentração. Em bioprocessos, ele é fundamental para quantificam o consumo dos nutrientes e a produção de produto final desejado.

No batelada simples, o balanço de massa é utilizado para descriver como o substrato principal é consumido (equação 1) e a quantidade de biomassa (equação 2) e produto (equação 3) é não acumulada até o final do processo. É preciso lembrar que como não tem a adição de substrato e nem a retirada de produtos, o volume é constante.

$$\frac{dS}{dt} = -\mu x \quad (\text{equação 1})$$

$$dS = -\mu x dt$$

$$\frac{dx}{dt} = \mu x \quad (\text{equação 2})$$

$$dt$$

$$\frac{dp}{dt} = \gamma_{ps} \mu x$$

$$dt$$

Onde: dS é a variação na concentração de substrato; dt é a unidade de tempo a ser considerado; y_{ps} é a taxa de rendimento biomassa-substrato; μ é a velocidade específica de crescimento; x é a concentração de biomassa; dp é a variação na concentração de produto; y_{ps} é a taxa de rendimento produto-biomassa.

Para a batelada alimentada, como tem-se a adição de nutrientes, não tem a retirada de produtos é preciso levar-se em conta a taxa de adição de nutrientes. O volume não é mais constante, dessa forma, o substrato consumi-

(equação 4) e a biomassa (equação 5) e o produto (equação 6) não devem ser escritas como:

$$\frac{d(G_F)}{dt} = F G_F - 1 \mu_{xx} \quad (\text{equação 4})$$

$$\frac{d(x)}{dt} = \mu_{xx} \quad (\text{equação 5})$$

$$\frac{d(P)}{dt} = Y_{xz} \cdot \mu_x \quad (\text{equação 6})$$

Onde: F é o fluxo de alimentação, e G_F é a concentração de substrato na corrente de entrada e V é o volume do meio de cultivo.

Por fim, no balanço da massa do processo contínuo deve-se ter em conta a saída e a adição, simultâneas, de substrato e produto, respectivamente. Com isso para o consumo de substrato (equação 7), a produção de biomassa (equação 8) e de produto (equação 9) podem ser escritas como:

$$\Delta S = D G_F - \frac{1}{V} \mu_x \quad (\text{equação 7})$$

$$\Delta x = \mu_x \quad (\text{equação 8})$$

$$\Delta P = Y_{xz} \cdot \mu_x \quad (\text{equação 9})$$

Onde: D é a taxa de diluição ($D = F/V$).

A taxa de diluição é deextrême importância para o estudo operacional na operação de processo contínuo. Pela equação 8, pode-se observar que ela é igual à taxa de crescimento específico, ou seja, $\mu = D$. Isto significa, que a taxa de biomassa que sai do bioreactor é igual à taxa de biomassa que entra nele.

A escolha de qual tipo de operação será empregada tem um impacto dependente do tipo de produto desejado, do meio-suspenso a ser utilizado, do investimento inicial dentre outros fatores.

Q- Os fenômenos de Transporte em Bioprocessos são de extrema importância, porque eles permitem como verificam, por exemplo, a configuração de um determinado bioreactor a ser empregado para a obtenção de determinado produto. Os Fenômenos de Transporte principais são a transferência de massa, a transferência de

ea. transpirância de momentum

A transpirância de momentum corresponde à transpirância de um componente mais concentrado para uma região de menor concentração. Isso é de grande importância, por exemplo, para sistemas que utilizam micro-organismos aeróbios, onde a concentração de oxigênio é fundamental para o crescimento celular e a produção de metabólitos.

A transpirância de calor corresponde à transpirância de energia térmica para regiões em relações que estão com diferentes temperaturas. Esta transpirância é essencial para determinar as configurações de um bioreactor ou utilizado, visto que, a temperatura influencia diretamente no crescimento e na atividade metabólica dos micro-organismos.

Por fim, a transpirância de momentum está relacionada ao fluxo e ao fator que promovem a movimentação de meios em um bioreactor.

A transpirância de massa entre duas fases corresponde à transpirância de um componente, por exemplo, o oxigênio de uma fase mais concentrada (gas) para uma fase menor concentrada (líquido). Como dito anteriormente, esta transpirância é de suma importância para o cultivo de micro-organismos aeróbicos.

O nome de processo aeróbico para muitas vezes pela capacidade de se tornar oxigênio de meio gás para líquido. Isto acontece, porque diretamente dos nutrientes como carbono, nitrogênio e fosfato, não se consegue solubilizar grandes quantidades de oxigênio em soluções aquosas, visto a pouca solubilidade dele em água.

A transpirância de oxigênio de uma fase gás para uma fase líquida deve-se em 3 etapas principais: (1) transpirância de oxigênio do gás para o líquido; (2) difusão de oxigênio no meio líquido; (3) consumo de oxigênio pelas células microbianas.

A concentração de oxigênio em um meio líquido é dada por:

$$\frac{dc}{dt} = k_a A (C_s - C)$$

dt

OO

Onde: c é a concentração de oxigênio em um determinado período de tempo;
 k_t é a constante volumétrica de transpirância de oxigênio; C_0 é a concentração de oxigênio no líquido em equilíbrio com P_g , segundo a lei de Henry; e
 C é a concentração de oxigênio no soro líquido.

Caracterizar o sistema de transpirância de oxigênio para fins de determinação do parâmetro K_t é feito com o uso de algumas metodologias, como:

Na ausência de micro-organismos: método da sulfitação, método da desoxigenação e método do gás-haemato.

Na presença de micro-organismos: método da balança gás e pelo método que utiliza eletrônicos no mico.

Os métodos feitos na ausência de micro-organismos são utilizados para caracterizar sistemas de agitação e os já os métodos de utilizados na presença de micro-organismos são complementares.

O objetivo de um sistema de agitação é manter uma mistura homogênea e manter os sólidos em suspensão. Eles podem ser mantidos agitados macicamente e internas agitações pneumáticamente. Os sistemas agitados macicamente se fazem no uso de agitadores como pás, bálgos e turbinas para agitação externa dentro de um biorreator. Por sua vez, os sistemas de agitação pneumática utilizam ar para agitar a mistura por meio de colunas de bubbleramento ou difusores de ar. A potência é a energia por unidade de tempo consumida pelos agitadores para manter o mico agitado.

Em sistemas agitados e mixadores que unem líquidos neutros não formam 3 regiões: região laminar, região intermediária e região turbulenta. A potência na região laminar e turbulenta é dada por:

$$\text{Região laminar: } N_p = K_1 (Re)^2, \text{ em } \text{kg}, P = K_1 N^2 D_i^3 \mu$$

$$\text{Região turbulenta: } N_p = K_2 = \text{constante}, \text{ em } \text{kg}, P = K_2 N^2 D_i^3 \rho$$

Onde: N_p é o número de potência; Re é o número de Reynolds; P é a potência utilizada; N é a frequência de agitação; μ é a viscosidade do líquido; ρ é a densidade do líquido.

Em sistemas que tem a pressão de trabalho de ar a potência total é dada em consideração a potência nem arção:

$$P_g = 0,106 \left(\frac{P^2 N D_i^3}{Q^{0,96}} \right)^{0,43}$$

Onde: P_g é a potência no sistema seco, P é a pressão no sistema seco e Q é a vazão de ar.

Em líquidos não-newtonianos, como aqueles mais de cultivo de fungos fermentos, a potência é dada considerando um número modificado de Reynolds que leva em conta as propriedades viscoelásticas do líquido. Ele é dada por:

$$P = N_F p N^3 D_i^5$$

As separam de baseada de um laboratório para um processo industrial alguma critério tem que ser mantidas constantes mesmo com o aumento de volume como a constância do R_{fa} , a constância da potência por volume e etc.